1.

## **SEQUENCE LISTING**

```
<110> St Vincent's Hospital (Sydney) Limited and Victor Chang
    Cardiac Research Institute
5 <120> Assessment of disease risk by determining frequency of gene
    epimutation
    <130> 03 1373 9247
    <160> 16
    <170> PatentIn version 3.3
10
    <210> 1
    <211> 26
    <212> DNA
    <213> Artificial
15 <220>
    <223> primer sequence MLH1 AF
    ttaygggtaa gtygttttga ygtaga
    26
20
    <210> 2
    <211> 26
    <212> DNA
    <213> Artificial
25 <220>
    <223> primer sequence MLH1 AR
    <400> 2
    cctataccta atctatcrcc rcctca
    26
30
    <210> 3
    <211> 23
    <212> DNA
    <213> Artificial
35
    <220>
    <223> primer sequence MLH1 BF
    <400> 3
    aaattttta attttgtggg ttg
    23
40
    <210> 4
    141693021
```

```
<211> 24
    <212> DNA
    <213> Artificial
5
    <220>
    <223> primer sequence MLH1 BR
    <400> 4
    acttccatct tacttctttt aaac
10
    24
    <210> 5
    <211> 25
    <212> DNA
15 <213> Artificial
    <220>
    <223> primer sequence MLH1 CF
    <400> 5
    ggttggatat ttygtatttt tygag
20
    25
    <210> 6
    <211> 25
    <212> DNA
25 <213> Artificial
    <220>
    <223> primer sequence MLH1 CR
    <400> 6
    aattactaaa tctcttcrtc cctcc
30
    25
    <210> 7
    <211> 26
    <212> DNA
35
   <213> Artificial
    <220>
    <223> primer sequence MLH1 SNP 5
    <400> 7
    gcatctctgc tcctattggc tggata
40
    26
    <210> 8
    141693021
```

3.

```
<211> 26
    <212> DNA
    <213> Artificial
  <220>
    <223> primer sequence MLH1 SNP 3
    <400> 8
    agtgccttca gccaatcacc tcagtg
    26
10
    <210> 9
    <211> 27
    <212> DNA
    <213> Artificial
15 <220>
    <223> primer sequence MLH1 DEG 5
    <400> 9
    tattttagta gaggtatata agttygg
    27
20
    <210> 10
    <211> 24
    <212> DNA
    <213> Artificial
25 <220>
    <223> primer sequence MLH1 DEG 3
    <400> 10
    ccttcaacca atcacctcaa tacc
    24
30
    <210> 11
    <211> 25
    <212> DNA
    <213> Artificial
35 <220>
    <223> primer sequence MLH1 MSP 5
    <400> 11
    attggttgga tatttcgtat ttttc
    25
40
    <210> 12
     <211> 24
     141693021
```

4.

```
<212> DNA
    <213> Artificial
    <220>
   <223> primer sequence MLH1 DEG 3
5
    <400> 12
    ccttcaacca atcacctcaa tacc
    24
10 <210> 13
    <211> 23
    <212> DNA
    <213> Artificial
    <220>
   <223> hMLH1 forward primer
15
    <400> 13
    tagtagtcgt tttagggagg gac
    23
20
    <210> 14
    <211> 25
    <212> DNA
    <213> Artificial
25 <220>
    <223> hMLH1 reverse primer
    <400> 14
    aaaaaacgtc taaatactca acgaa
    25
30
    <210> 15
    <211> 20
    <212> DNA
    <213> Artificial
35
    <220>
    <223> p16 forward primer
    <400> 15
    gttggttacg gtcgcggttc
    20
40
    <210> 16
    <211> 22
```

141693021

WO 2005/038047 PCT/AU2004/001434

5.

```
<212> DNA
<213> Artificial
<220>
5 <223> p16 reverse primer
<400> 16
ccgaccgtaa ctattcgata cg
22
```

10